AOK	LKK	BKK	IKK	VdAK	AEV	Knappschaft	Privat	Re. an K-Haus

Name, Vorname des Versicherten		geb. am
Kassen-Nr.	Versicherten-Nr.	Status
Vertragsarzt Nr.	VK gültig bis	Datum

Dieser Anforderungsbogen ersetzt nicht den Überweisungsschein bei Kassenpatienten.

Antrag auf molekularpathologische Begutachtung

(mit Einverständnis des Patienten)

Zentrum für Pathologie Allgäu (ZfPA)
Medizinisches Versorgungszentrum am Klinikum Kempten

PD Dr. med. Konrad Aumann und KollegInnen

Postfach 2122, 87411 Kempten Tel. 0831 530-2180
Robert-Weixler-Str. 48, 87439 Kempten Fax 0831 530-2170
E-Mail: pathologie-info@klinikverbund-allgaeu.de
www.patho-kempten.de

Zertifiziert nach DIN EN ISO 9001:2015

○ Ambulant ○ Privat ○ Stationär

Klinische Angaben:

Diagnose (ICD 10):

Prädiktive und prognostische Analysen (organspezifisch)

○ **Lungenkarzinom**
○ ALK-Translokation [t(2q23)]
○ RET-Translokation [t(10q11)]
○ ROS-Translokation [t(6q22)]
○ MET-Amplifikation
○ NRG1-Fusionen
○ BRAF-Mutationen (Exon 11, 15)
○ EGFR-Mutationen (Exon 3, 7, 15, 18–21)
○ EGFR-T790M-Mutation (Exon 20)
○ HER2-Mutationen (Exon 20)
○ KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ PIK3CA-Mutationen (Exon 2, 5, 7, 8, 10, 14, 19, 21)
○ MET Ex 14 Skipping Variante
○ KEAP1-Mutationen (Exon 2–6)
○ TP53-Mutationen (Exon 2, 4–8, 10)
○ STK11-Mutationen (Exon 1, 4–6, 8)
○ PD-L1 (IHC)

○ **Kolorektales Karzinom**
○ KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ NRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ BRAF-Mutationen (Exon 15)
○ PIK3CA-Mutationen (Exon 9, 20)
○ HER2-Analytik (17q12 [ERBB2])
○ PD-L1 (IHC)

○ **Lynch-Diagnostik**
○ MMR-Proteine (IHC: MLH1, MSH2, MSH6, PMS2)
○ Mikrosatelliten-Instabilität (MSI Panel)
○ BRAF-Mutationen (Exon 15)
○ MLH1-Promotor Methylierung*

○ **Gastrointestinaler Stromatumor / GIST**
○ KIT-Mutationen (Exon 2, 9–11, 13–15, 17, 18)
○ PDGFRA-Mutationen (Exon 12, 14, 15, 18)

○ **Malignes Melanom**
○ BRAF-Mutationen (Exon 11, 15)
○ KIT-Mutationen (Exon 2, 9–11, 13–15, 17, 18)
○ NRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)

○ **Mammakarzinom**
○ HER2-Analytik 17q12 [ERBB2]
○ PIK3CA-Mutationen (Exon 2, 5, 7, 8, 10, 14, 19, 21)
○ ESR1-Mutationen
○ BRCA1/2
○ PD-L1 (IHC)
○ RNA-Expressionsanalyse (Endopredict)*

○ **Magen-/Ösophaguskarzinom**
○ HER2-Analytik 17q12 [ERBB2]
○ EBV (EBER-ISH)
○ PD-L1 (IHC)
○ MSI-/MMR-Diagnostik

○ **Ovarialkarzinom**
○ BRCA1/2
○ HRD-Analyse*

○ **Prostatakarzinom**
○ BRCA1/2
○ ATM-Mutation
○ PTEN-Expressionsanalyse (IHC)
○ HRD-Analyse*

○ **Pankreaskarzinom**
○ BRCA1/2
○ KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ NRG1-Fusionen

○ **Kopf-Hals Tumoren**
○ FGFR-Fusionen (8p11)
○ EGFR-Mutationen (Exon 3, 7, 15, 18–21)
○ RAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ PIK3CA-Mutationen (Exon 2, 5, 7, 8, 10, 14, 19, 21)
○ EBV (EBER-ISH)
○ PD-L1 (IHC)

○ **Schilddrüsenkarzinom**
○ RET-Fusionen (10q11)
○ RET-Mutationen (Exon 10, 11, 13, 15, 16)
○ BRAF-Mutationen (Exon 11, 15)

○ **Urothelkarzinom**
○ FGFR1/2/3-Fusionen
○ FGFR1/2/3-Mutationen (Exon 7, 9, 14, 16, 18)
○ HER2-Analyse [ERBB2]
○ PD-L1 (IHC)

○ **Cholangiokarzinom**
○ FGFR1/2/3-Fusionen
○ IDH1/2-Mutationen (Exon 2, 4)
○ BRAF-Mutationen (Exon 11, 15)
○ KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4)
○ HER2-/ERBB2-Mutationen (Exon 19, 20, 21)
○ BRCA1/2-Mutationen
○ PD-L1 (IHC)
○ MSI-/MMR-Diagnostik

○ **Endometriumkarzinom**
○ MSI-/MMR-Diagnostik
○ TP53-Mutationen
○ POLE-Mutationen (Exon 9–14)
○ L1CAM-Expressionsanalyse (IHC)

**in Kooperation mit externen Laboren*

Somatische Mutations-/Fusionsanalytik (NGS Panel-Diagnostik)

○ **Illumina Cancer Hotspot:** ABL1, AKT1, ALK, APC, ATM, BRAF, CDH1, CDKN2A, CSF1R, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EZH2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KRAS, MET, MLH1, MPL, NOTCH1, NPM1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, PTPN11, RB1, RET, SMAD4, SMARCB1, SMO, SRC, STK11, TP53, VHL

○ **QIAseq Targeted DNA Panel (nNGM v2):** ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, IDH1, IDH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN, TP53, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, HRAS, STK11, KEAP1

○ **RNA-Fusionsanalyse (QIAseq Targeted RNAscan Panel (nNGM)):** ALK, MET, BAG4, MPRIP, BRAF, MRPS14, CCDC6, NRG1, CD74, NTRK1, CIAO1, NTRK2, COPA, NTRK3, CUX1, RAD51, EGFR, RET, EML4, ROS1, ETV6, SDC4, EZR, SLC34A2, FGFR1, STRN, FGFR2, TACC3, FGFR3, TFG, GOPC, TPM3, HIP1, TPR, KIF5B, TRIM33, KLC1, UBE3C, LRIG

In-situ-Hybridisierungen zur Evaluation von Genrearrangements / Sonstiges:

Sonde (Beispiel)
○ MDM2 [12q15] (Liposarkom)
○ DDIT3 bap [12q13] (Liposarkom)
○ FUS bap [16p11] (Liposarkom)
○ EWSR1 bap [22q12] (Ewing Sarkom)
○ HER2/CEP17 [17q11] (Mamma)
○ SS18 bap [18q11] (synoviales Sarkom)
○ MET-Amplifikation (Lungenkarzinom)
○ CCND1-bap [11q13] (Mantelzelllymphom)
○ 19q13/19p13 (Gliome)
○ 1p36/1q25 (Gliome)
○ EBV EBER-ISH (Magenkarzinom, Lymphome)

Sonstiges: _____

Stempel Arzt / Klinik

Unterschrift