

AOK	LKK	BKK	IKK	VdAK	AEV	Knappschaft	Privat	Re. an K-Haus
Name, Vorname des Versicherten geb. am								
Kassen-Nr.			Versicherten-Nr.			Status		
Vertragsarzt Nr.			VK gültig bis			Datum		

Antrag auf molekularpathologische Begutachtung

(mit Einverständnis des Patienten)

Zentrum für Pathologie Allgäu (ZfPA)
Medizinisches Versorgungszentrum am Klinikum Kempten

PD Dr. med. Konrad Aumann und KollegInnen

Postfach 2122, 87411 Kempten Tel. 08 31 / 5 12 99-0
 Robert-Weixler-Str. 48, 87439 Kempten Fax 08 31 / 5 12 99-60

E-Mail: pathologie-info@klinikverbund-allgaeu.de
 www.patho-kempten.de

Zertifiziert nach DIN EN ISO 9001:2015

Dieser Anforderungsbogen ersetzt nicht den Überweisungsschein bei Kassenpatienten.

Ambulant Privat Stationär

Klinische Angaben:

Diagnose (ICD 10):

Prädiktive und prognostische Analysen (organspezifisch)

- | | | |
|--|---|---|
| <ul style="list-style-type: none"> <input type="radio"/> Lungenkarzinom <input type="radio"/> ALK-Translokation [t(2q23)] <input type="radio"/> RET-Translokation [t(10q11)] <input type="radio"/> ROS-Translokation [t(6q22)] <input type="radio"/> MET-Amplifikation <input type="radio"/> BRAF-Mutationen (Exon 15) <input type="radio"/> EGFR-Mutationen (Exon 18, 19, 20, 21) <input type="radio"/> EGFR-T790M-Mutationen (Exon 20) <input type="radio"/> HER2-Mutationen (Exon 20) <input type="radio"/> KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4) <input type="radio"/> PIK3CA-Mutationen (Exon 9, 20) <input type="radio"/> MET Ex 14 Skipping Variante <input type="radio"/> Keap1-Mutationen (Exon 2-6) <input type="radio"/> STK11-Mutationen (Exone 1-9) <input type="radio"/> PD-L1 (IHC) <input type="radio"/> Kolorektales Karzinom <input type="radio"/> KRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4) <input type="radio"/> NRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4) <input type="radio"/> BRAF-Mutationen (Exon 15) <input type="radio"/> PIK3CA-Mutationen (Exon 9, 20) <input type="radio"/> HER2-Analytik (17q12 [ERBB2]) <input type="radio"/> PD-L1 (IHC) | <ul style="list-style-type: none"> <input type="radio"/> HNPCC-Diagnostik <input type="radio"/> MMR-Proteine (IHC: MLH1, MSH2, MSH6, PMS2) <input type="radio"/> Mikrosatelliten-Instabilität (MSI Panel) <input type="radio"/> BRAF-Mutationen (Exon 15) <input type="radio"/> Gastrointestinaler Stromatumor / GIST <input type="radio"/> KIT-Mutationen (Exon 9, 11, 13, 17) <input type="radio"/> PDGFRA-Mutationen (Exon 12, 18) <input type="radio"/> Malignes Melanom <input type="radio"/> BRAF-Mutationen (Exon 15) <input type="radio"/> KIT-Mutationen (Exon 9, 11, 13, 17) <input type="radio"/> NRAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4) <input type="radio"/> Mammakarzinom <input type="radio"/> HER2-Analytik 17q12 [ERBB2] <input type="radio"/> PIK3CA-Mutationen (Exon 9, 20) <input type="radio"/> BRCA1/2 <input type="radio"/> PD-L1 (IHC) <input type="radio"/> Magen-/Ösophaguskarzinom <input type="radio"/> HER2-Analytik 17q12 [ERBB2] <input type="radio"/> EBV (EBER-ISH) <input type="radio"/> PD-L1 (IHC) | <ul style="list-style-type: none"> <input type="radio"/> Ovarialkarzinom <input type="radio"/> BRCA1/2 <input type="radio"/> Prostatakarzinom <input type="radio"/> BRCA1/2 <input type="radio"/> Pankreaskarzinom <input type="radio"/> BRCA1/2 <input type="radio"/> Kopf-Hals Tumoren <input type="radio"/> 8p11 [FGFR1] FGFR-Analytik <input type="radio"/> EGFR-Mutationen (Exon 18, 19, 20, 21) <input type="radio"/> RAS-Mutationen (Exon 2, 3, 4) <input type="radio"/> PIK3CA-Mutationen (Exon 9, 20) <input type="radio"/> EBV (EBER-ISH) <input type="radio"/> PD-L1 (IHC) <input type="radio"/> Schilddrüsenkarzinom <input type="radio"/> t (10q11) [RET] <input type="radio"/> RET-Mutation <input type="radio"/> BRAF-Mutationen (Exon 15) |
|--|---|---|

Somatische Mutations-/Fusionsanalytik (NGS Panel-Diagnostik)

- Illumina Cancer Hotspot Panel v2**
 ABL1, AKT1, ALK, APC, ATM, BRAF, CDH1, CDKN2A, CSF1R, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EZH2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KRAS, MET, MLH1, MPL, NOTCH1, NPM1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, PTPN11, RB1, RET, SMAD4, SMARCB1, SMO, SRC, STK11, TP53, VHL
- QIAseq Targeted DNA Panel (nNGM)**
 ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, IDH1, IDH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PIK3CA, PTEN, TP53, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, HRAS, STK11, KEAP1
- RNA-Fusionsanalyse (QIAseq Targeted RNAscan Panel (nNGM))**
 ALK, MET, BAG4, MPRIP, BRAF, MRPS14, CCDC6, NRG1, CD74, NTRK1, CIAO1, NTRK2, COPA, NTRK3, CUX1, RAD51, EGFR, RET, EML4, ROS1, ETV6, SDC4, EZR, SLC34A2, FGFR1, STRN, FGFR2, TACC3, FGFR3, TFG, GOPC, TPM3, HIP1, TPR, KIF5B, TRIM33, KLC1, UBE3C, LRIG

In-situ-Hybridisierungen zur Evaluation von Genrearrangements / Sonstiges:

- Sonde (Beispiel)
- | | | |
|--|--|--|
| <input type="radio"/> MDM2 [12q15] (Liposarkom) | <input type="radio"/> HER2/CEP17 [17q11] (Mamma) | <input type="radio"/> 19q13/19p13 (Gliome) |
| <input type="radio"/> DDIT3 bap [12q13] (Liposarkom) | <input type="radio"/> SS18 bap [18q11] (synoviales Sarkom) | <input type="radio"/> 1p36/1q25 (Gliome) |
| <input type="radio"/> FUS bap [16p11] (Liposarkom) | <input type="radio"/> MET-Amplifikation (Lungenkarzinom) | <input type="radio"/> EBV EBER-ISH (Magenkarzinom, Lymphome) |
| <input type="radio"/> EWSR1 bap [22q12] (Ewing Sarkom) | <input type="radio"/> CCND1-bap [11q13] (Mantelzellymphom) | |

Sonstiges: _____

Stempel Arzt / Klinik

Unterschrift